

Biofondrie de l'Alliance Sorbonne Université

Créée en 2024 sous la co-tutelle de Sorbonne Université, du CNRS et de L'Université de Technologie de Compiègne, l'UMS Biofondrie de l'Alliance Sorbonne Université (BFASU), est la première biofondrie académique en France, une plateforme robotisée de biologie de synthèse. Elle a pour mission de mettre en place une offre de services technologiques, de partenariats et de formation de haut niveau en bio-ingénierie à destination des formations universitaires, des laboratoires académiques et des entreprises du secteur, avec l'ambition affichée de structurer la filière de l'ingénierie du vivant depuis son niveau fondamental jusqu'à ses applications technologiques (plus d'informations à l'adresse suivante : <http://www.parisbiofoundry.org>).

La BFASU est à la recherche pour son service de spectrométrie de masse d'un(e) ingénieur(e) d'étude spécialisé(e) en spectrométrie de masse appliquée à la métabolomique et/ou la protéomique.

CDD 1 an renouvelable

**Formation Bac+5
Biochimie / Chimie analytique**

Expérience souhaitée de 1 à 4 ans

Rémunération selon expérience

**Prise de fonction à partir du
01/02/2025 (négociable)**

Missions

L'ingénieur(e) aura pour mission de réaliser le phénotypage moléculaire des souches de bactéries, levures et microalgues générées par la BFASU en réalisant des analyses protéomiques et métaboliques quantitatives et structurales.

Il/Elle interagira avec les demandeurs d'analyses pour définir les besoins et leur exposer les possibilités et limites des technologies et matériels présents sur le plateau, définir la meilleure stratégie à adopter pour la conduite des études.

Il/Elle assurera la préparation des échantillons, l'analyse en spectrométrie de masse, l'exploitation qualitative et quantitative des données et la rédaction des rapports d'analyse.

Il/Elle assurera également la coordination des ressources analytiques et informatiques. L'ingénieur(e) veillera au bon fonctionnement des équipements et assurera le suivi métrologique des équipements (Tribrid Ascend, Vanquish Neo et Flex) ainsi que la gestion des données brutes (serveur Ardia, Thermo).

Profil recherché

- Connaissances en biochimie et chimie analytique.
- Connaissances approfondies des méthodes de préparation des échantillons biologiques pour leur analyse en spectrométrie de masse (métabolomique et/ou protéomique).
- Connaissances théoriques et pratiques en techniques analytiques séparatives (en particulier la UHPLC-MS) et en traitement des données UHPLC-MS de métabolomique et/ou protéomique (ciblée/non ciblée) et des logiciels associés (logiciels Thermo Fisher, MSDial, DIA-NN, MaxQuant, ...)
- Connaissances théoriques et pratiques des principales techniques d'analyses statistiques (ACP, ANOVA, t-Test, ...) et de l'environnement R ou Python.
- Langues : Français et Anglais courant

Contact

Merci d'envoyer votre candidature (CV + lettre de motivation + références) à :

christophe.marchand@sorbonne-universite.fr et stephane.lemaire@sorbonne-universite.fr

Localisation : Campus Pierre et Marie Curie, Bâtiment B – 2ème étage, 4 place Jussieu 75005 Paris