

Offre d'emploi :**Ingénieur d'étude en spectrométrie de masse et protéomique structurale :****Localisation :**

Institut de Génomique Fonctionnelle, U1191, service Plateforme de Protéomique Fonctionnelle (FPP), 141 Rue de la Cardonille, 34094 Montpellier Cedex 05.

Type d'emploi :

Le service recrute un(e) ingénieur(e) chimiste ou biochimiste formé(e) aux analyses des protéines par spectrométrie de masse structurale sur un CDD de 12 mois (possibilité de renouvellement) à pourvoir au 1^{er} mai 2019, avec un salaire mensuel brut d'environ 2230€.

Mission :

La mission principale du (de la) candidat(e) sera la réalisation d'analyses de protéomique structurale par spectrométrie de masse native couplée à la mobilité ionique ainsi que par le suivi de l'échange Hydrogène/Deutérium sur des échantillons protéiques, en réponses aux besoins des utilisateurs académiques et industriels.

Le (la) candidat(e) assurera la responsabilité technique et opérationnelle d'un Synapt G2-Si (waters), une UPLC ainsi qu'un robot d'échange Hydrogène/Deutérium qui seront installés prochainement au sein de la FPP. La personne recrutée travaillera en étroite collaboration avec Cherine Bechara (IGF, équipe de S. Granier et FPP). Dans le cadre des prestations dont il (elle) aura la charge, le (la) candidat(e) devra être autonome à la fois dans la préparation des échantillons, l'interprétation des résultats et la rédaction de rapports d'analyse, ainsi que dans le suivi administratif des prestations. Le (la) candidat(e) participera également activement au fonctionnement quotidien de la plateforme en veillant au respect des procédures qualité mises en place dans le cadre de la certification ISO 9001:2015.

Formation et compétences :

Niveau Master ou Ingénieur de formation chimiste et/ou biochimiste avec de bonnes connaissances théoriques et pratiques de la spectrométrie de masse, de la chromatographie en phase liquide et de l'échange Hydrogène/Deutérium appliqués à l'analyse des peptides et protéines. Il (elle) devra posséder des bases solides en chimie analytique, chimie des protéines, biologie et/ou biochimie. Une maîtrise des logiciels informatiques (notamment ceux développés par la compagnie Waters : MassLynx, DriftScope, ProteinLynx Global SERVER) sera un atout. Le (la) candidat(e) n'a pas nécessairement à maîtriser les analyses par spectrométrie de masse native auxquelles il (elle) sera formé(e) s'il (elle) démontre la volonté d'approfondir ses connaissances et son savoir-faire. Une aptitude au travail en équipe et à l'interaction avec les utilisateurs de la plateforme est indispensable. Le (la) candidat(e) devra faire preuve de motivation, d'initiative, de rigueur dans l'organisation du travail au quotidien et dans le suivi administratif des prestations. La maîtrise de l'anglais est souhaitée.

Personne à contacter :

Merci d'envoyer un CV et une lettre de motivation à Cherine Bechara (cherine.bechara@igf.cnrs.fr).